

Lucas Waltzer, DR1 CNRS- HDR

Institut GRéD, Université Clermont-Auvergne, UMR6293, U1103, 28 Place Henri Dunant, Clermont-Ferrand

### Cursus scientifique

---

Depuis 2017: *responsable de l'équipe « Régulations Epigénétiques & Ontogenèse »* à l'iGRéD.

2007-2017: *co-responsable de l'équipe « Hématopoïèse & Immunité »* au Centre de Biologie du Développement (CBD/CBI), Toulouse.

1999-2006: *Chargé de recherche CNRS dans l'équipe du Dr M. Haenlin, CBD - Toulouse.* Rôles des facteurs de transcription de type GATA et RUNX dans l'émergence des lignages sanguins de la Drosophile.

1996-1999: *post-doctorant EMBO dans l'équipe du Dr M. Bienz, Laboratory of Molecular Biology, Cambridge, UK.* Régulation de l'expression génique par les voies Wnt et BMP chez la Drosophile.

1993-1996: *DEA et thèse dans l'équipe du Dr A. Sergeant- Ecole Normale Supérieure de Lyon- Inserm U412.* Régulation de la latence du virus d'Epstein-Barr par les facteurs EBNA2 et EBNA3.

### Principales responsabilités collectives

---

Depuis 2022 : membre du panel expert HCERES SVE3 « Molécules du vivant, biologie intégrative, biologie cellulaire et du développement pour la science animale ».

Depuis 2016 : membre du Conseil Scientifique de la Ligue francilienne contre le Cancer.

2019-2022 : membre de la Commission Nationale 2 « Génétique des tumeurs » de la Fondation ARC.

2008-2016 : membre de la section 21 « Organisation, expression, évolution des génomes » du CoNRS.

### Sélection de publications

---

Boulet et al., Adenine methylation is very scarce in the Drosophila genome and not erased by the Ten Eleven Translocation dioxygenase. *En révision (Genome Biology)*.

Boulet et al., Characterization of the Drosophila adult hematopoietic system reveals a rare cell population with differentiation and proliferation potential. *Front Cell Dev Biol.* (2021) doi: 10.3389/fcell.2021.739357.

Quilien et al., Prmt5 promotes vascular morphogenesis independently of its methyltransferase activity. *PLoS Genetics* (2021), doi: 10.1371/journal.pgen.1006932.

Rodrigues et al., Differential activation of JAK-STAT signaling reveals functional compartmentalization in Drosophila blood cell progenitors. *eLife* (2021) doi: 10.7554/eLife.61409.

Lepesant et al., A dual role of dLsd1 in oogenesis: regulating developmental genes and repressing transposons. *Nucleic Acids Res.* (2019) doi: 10.1093/nar/gkz1142

Miller et al., Regulation of RUNX-induced transcriptional repression of Notch by Myeloid Leukemia Factor and its partner DnaJ-1 controls Drosophila blood cell differentiation. *PLoS Genet.* (2017) doi: 10.1371/journal.pgen.1006932.

Letourneau et al., Drosophila hematopoiesis under normal conditions and in response to immune stress. *FEBS Lett.* (2016) doi: 10.1002/1873-3468.12327.

Benmimoun et al., The EBF transcription factor Collier directly promotes Drosophila blood cell progenitor maintenance independently of the niche. *Proc Natl Acad Sci. USA* (2015) doi: 10.1073/pnas.1423967112.

Breig et al., Pontin is a critical regulator for AML1-ETO-induced leukemia. *Leukemia* (2014) doi: 10.1038/leu.2013.376.

Bras et al., Myeloid Leukemia Factor is a conserved regulator of RUNX transcription factor activity involved in hematopoiesis. *Proc Natl Acad Sci. USA* (2012) doi: 10.1073/pnas.1117317109.

Benmimoun et al. Dual role for Insulin/TOR signaling in the control of hematopoietic progenitor maintenance in Drosophila. *Development* (2012) doi: 10.1242/dev.080259.